

<https://repozitorij.fer.unizg.hr/user/profile/mbz/255424>

Vrijeme izvoza: 11.08.2020. 11:57:57

Repozitorij: repozitorij.fer.unizg.hr

Ukupan broj zapisa na URL-u: 52

Broj izvezenih zapisa: 52

Naslov	URL	Autori	Naslov izvornika
Procjena očekivanog stupnja potpunosti genoma iz dostupnih očitavanja	https://urn.nsk.hr/urn:nbn:hr:168:384714	Fureš, Matej	
Izgradnja biblioteke za poravnavanje parova dugačkih RNA očitavanja	https://urn.nsk.hr/urn:nbn:hr:168:405366	Penić, Rafael Josip	
Poliranje DNA slijeda koristeći metode dubokog učenja	https://urn.nsk.hr/urn:nbn:hr:168:755208	Vrček, Lovro	
De novo sastavljanje genoma vođeno referencom	https://urn.nsk.hr/urn:nbn:hr:168:127628	Bakić, Sara	
Gornja granica u sastavljanju genoma	https://urn.nsk.hr/urn:nbn:hr:168:331139	Požega, Luka	
Klasifikacija očitavanja koristeći metode dubokog učenja	https://urn.nsk.hr/urn:nbn:hr:168:415625	Relić, Borna	
Korištenje referentne baze za predviđanje plazmida	https://urn.nsk.hr/urn:nbn:hr:168:459130	Deur, Sanja	
Mapiranje dugačkih očitavanja	https://urn.nsk.hr/urn:nbn:hr:168:013217	Pongračić, Kristijan	
Mapiranje kratkih očitavanja	https://urn.nsk.hr/urn:nbn:hr:168:286362	Pavlič, Stanislav	
Mapiranje slijeda na graf	https://urn.nsk.hr/urn:nbn:hr:168:875581	Batić, Dominik	
Ocjena alata za identifikaciju vrsta u metagenomskim uzorcima	https://urn.nsk.hr/urn:nbn:hr:168:843242	Lipovac, Josipa	
Pronalaženje varijanti gena iz podataka dobivenih sekvenciranjem	https://urn.nsk.hr/urn:nbn:hr:168:510345	Kosier, Sanja	
Detekcija varijacija u jednom nukleotidu uporabom metoda dubokog učenja	https://urn.nsk.hr/urn:nbn:hr:168:790213	Stanojević, Dominik	
Identifikacija tipova 1D-signalna dubokog učenja	https://urn.nsk.hr/urn:nbn:hr:168:825125	Floreani, Filip	
Rani probir za otkrivanje preeklampsije	https://urn.nsk.hr/urn:nbn:hr:168:121825	Rupe, Marina	

Cjelobrojno programiranje pri nekim problemima raspoređivanja	https://urn.nsk.hr/urn:nbn:hr:168:913806	Križanović, Krešimir	
Poboljšanje sastavljenih genoma metodama dubokog učenja	https://urn.nsk.hr/urn:nbn:hr:168:912275	Jurić, Antonio	
Naučene indeksne strukture	https://urn.nsk.hr/urn:nbn:hr:168:253205	Paulinović, Mate	
Brzo pretraživanje sličnih proteinskih sljedova	https://urn.nsk.hr/urn:nbn:hr:168:820492	Babojelić, Dario	
Landau-Vishkin-Nussinov algoritam za poravnanje dva niza	https://urn.nsk.hr/urn:nbn:hr:168:101555	Vršnak, Donik	
Mobilna aplikacija za prikupljanje podataka o korisničkoj aktivnosti	https://urn.nsk.hr/urn:nbn:hr:168:153940	Baksa, Mirna	
Približni algoritam za brzo računanje poravnanja dvaju dugačkih nizova	https://urn.nsk.hr/urn:nbn:hr:168:487992	Sodić, Filip	
Sustav za pohranu DNA	https://urn.nsk.hr/urn:nbn:hr:168:099979	Šaravanja, Matej	
De novo sastavljanje metagenoma koristeći metode za grupiranje očitavanja	https://urn.nsk.hr/urn:nbn:hr:168:989610	Škugor, Luka	
Model dubokog učenja s kraja na kraj za određivanje očitanih baza dobivenih uređajem za sekvenciranje MinION	https://urn.nsk.hr/urn:nbn:hr:168:035297	Miculinić, Neven	
Popunjavanje rupa sastavljenih genoma pomoću dugačkih očitavanja	https://urn.nsk.hr/urn:nbn:hr:168:295015	Krpelnic, Ivan	
Pretraživanje baza proteina pomoću djelomično uređenog poravnanja	https://urn.nsk.hr/urn:nbn:hr:168:689373	Žuljević, Petar	
Skriveni Markovljev model za određivanje očitanih baza dobivenih uređajem za sekvenciranje MinION	https://urn.nsk.hr/urn:nbn:hr:168:544686	Selak, Ana Marija	
Algoritam za određivanje ukupnog poravnanja dva grafa poravnanja parcijalnog uređaja	https://urn.nsk.hr/urn:nbn:hr:168:809403	Bradač, Mislav	
Algoritam za računanje profila pogreške za tehnologije za sekvenciranje treće generacije	https://urn.nsk.hr/urn:nbn:hr:168:445432	Megla, Lucija	
Analiza metagenomskog uzorka dobivenog sekvenciranjem koristeći uređaje treće generacije	https://urn.nsk.hr/urn:nbn:hr:168:349673	Rupe, Marina	
Identifikacija tipova 1D-signalâ pomoću nenadziranog dubokog učenja	https://urn.nsk.hr/urn:nbn:hr:168:474486	Tomljanović, Jan	

Identifikacija tipova 1D-signalata pomoću polu-nadziranog dubokog učenja	https://urn.nsk.hr/urn:nbn:hr:168:377071	Šebrek, Tomislav	
Klasifikacija bioloških anotacija na velikoj skali koristeći reprezentacije riječi izvedene iz dokumenata biomedicinske znanstvene literature	https://urn.nsk.hr/urn:nbn:hr:168:032239	Baćac, Adriano	
Model dubokog učenja za određivanje očitanih baza dobivenih uređajem za sekvenciranje MinION	https://urn.nsk.hr/urn:nbn:hr:168:308213	Ratković, Marko	
Ručno određivanje lažnih preklapanja koja nastaju pri sastavljanju genoma	https://urn.nsk.hr/urn:nbn:hr:168:489713	Floreani, Filip	
Utjecaj susjeda na vlastito mišljenje	https://urn.nsk.hr/urn:nbn:hr:168:699442	Bestvina, Ivan	
dna2vec: vektorska reprezentacija k-torki različite duljine	https://urn.nsk.hr/urn:nbn:hr:168:814254	Kutnjak, Mateo	
Poravnanje dugačkih RNA očitavanja	https://urn.nsk.hr/urn:nbn:hr:168:586637	Jurić, Antonio	
Poravnanje RNA očitavanja na poznate gene	https://urn.nsk.hr/urn:nbn:hr:168:396403	Krpelnic, Ivan	
Stablo Bloomovih filtara za spremanje sljedova	https://urn.nsk.hr/urn:nbn:hr:168:130915	Škugor, Luka	
Sustav potpore odlučivanju za predviđanje i optimalnu nabavu	https://urn.nsk.hr/urn:nbn:hr:168:948941	Miculinić, Neven	
Alat za poravnanje dugačkih očitavanja	https://urn.nsk.hr/urn:nbn:hr:168:586716	Ratković, Marko	
Generiranje konsenzusnog slijeda iz grafova djelomično uređenih višestrukih poravnanja	https://urn.nsk.hr/urn:nbn:hr:168:685280	Baćac, Adriano	
Poboljšano sufiksno polje	https://urn.nsk.hr/urn:nbn:hr:168:819303	Hadviger, Antea	
Rekonstrukcija filogenetskog stabla koristeći metodu maksimalne uštede uz razgranaj-ograniči optimizaciju	https://urn.nsk.hr/urn:nbn:hr:168:116768	Selak, Ana Marija	
Rekonstrukcija filogenetskog stabla koristeći metodu udruživanja susjeda	https://urn.nsk.hr/urn:nbn:hr:168:274415	Megla, Lucija	
Sufiksno stablo	https://urn.nsk.hr/urn:nbn:hr:168:444680	Šebrek, Tomislav	
Web aplikacija za upravljanje projektima	https://urn.nsk.hr/urn:nbn:hr:168:990211	Bužić, Daria	
Web aplikacija za upravljanje recepturama	https://urn.nsk.hr/urn:nbn:hr:168:045690	Vanjak, Ivana	
Web-aplikacija za upravljanje osobnim i grupnim financijama	https://urn.nsk.hr/urn:nbn:hr:168:092892	Rotim, Leon	

Prostorno-vremensko proširenje sustava za upravljanje tokovima podataka	http://lib.fer.hr/cgi-bin/koha/opac-detail.pl?biblionumber=41135	Križanović, Krešimir	
---	---	----------------------	--