

Vrijeme izvoza: 23.04.2024. 19:02:21

Repozitorij: repositorij.fer.unizg.hr

Ukupan broj zapisa na URL-u: 127

Broj izvezenih zapisa: 100

Naslov	URL	Autori	Naslov izvornika
Web aplikacija za analizu bioinformatičkih podataka		Briševac, Zvonimir	
Web aplikacija za pohranjivanje i pretraživanje bioinformatičkih podataka		Špoljarec, Nikola	
Generička platforma u oblaku za objavu informacija i oglasa		Pandžić, Zdravko	
Usporedba radnih okvira za razvoj web-aplikacija		Djaković, Kristian	
Web aplikacija za pretraživanje baze biološki značajnih metala		Mišić, Antonio	
Stavovi studenata o poduzetništvu i inovacijama		Kurelja, Iva	
Ispitivanje sigurnosti dubokih neuronskih mreža za analizu slika		Smoljan, Dorian	
Sinteza novih pogleda temeljena na neuronskim poljima zračenja		Ciglenečki, Matej	
Aplikacija za vizualizaciju i manipulaciju bioinformatičkim podacima		Jurić, Vid	
Metagenomska klasifikacija temeljena na sastavljanju metagenoma		Frajlić, Nera	
Web platforma za prikazivanje i dijeljenje video sadržaja		Ranogajec, Daniel	
Klasifikacija nepoznatih organizama u simuliranom metagenomskom uzorku		Rivić Carević, Sara	
Izrada prototipa interaktivne slagalice za iskustveno učenje		Vdović, Lara	
Klasifikacija bolesti na temelju podataka o ekspresiji gena		Tuković, Lana	
Određivanje varijanti gena u populaciji više jedinki pomoću stojnog učenja		Vlainić, Ema	
Prototip robota za igranje tenisa		Ćuška, Vice	
Klasifikacija metagenomskog uzorka pomoću alata za mapiranje		Madžarac, Tea	
Optimizing approaches and representations for predictive modeling of molecular mechanisms of action and binding affinities of bioactive molecules		Oršolić, Davor	

Usporedba algoritamskog pristupa i tehnika strojnog učenja za problem grupiranja sekvenci DNA		Letić, Sandi	
Aplikacija za vizualizaciju bioinformatičkih podataka		Marić, Matej	
Otkrivanje bolesti iz podataka ekspresije gena pomoću strojnog učenja		Hladek, Mario	
Primjena dubokog učenja za detekciju lica		Vučinić, Anton	
Aplikacija za mapiranje očitanja na referencu s optimizacijom potrošnje memorije		Mička, Fran	
Aplikacija za organizaciju velikih bioinformatičkih podataka		Arbanas, Fran Andrija	
Aplikacija za pohranjivanje i vizualizaciju bioinformatičkih podataka		Osredrek, Nikola	
Detekcija klizišta na LiDAR snimkama temeljena na dubokom učenju		Šimac, Luka	
Generiranje umjetnih slika zuba pomoću dubokih neuronskih mreža		Batur, Marija	
Poboljšanje procjene duboke neuronske mreže kroz variranje slikovnog ulaza		Franetović, Roko	
Rekonstrukcija PET slika suparničkim modelima učenja		Kuljanac, Marija	
Određivanje varijanti gena u populaciji više jedinki iz podataka dobivenih sekvenciranjem, s malom greškom		Grbelja, Roko	
Klasifikacija mikroba uporabom dubokog učenja		Pongračić, Kristijan	
Korištenje graf neuronskih mreža za odvajanje haplotipa u grafovima sastavljanja		Wolf, Filip	
Metoda za mapiranje bisulfitno tretiranih očitanja na genom		Kosier, Sanja	
Metoda za sastavljanje genoma temeljena na De Bruijn grafovima i minimizatorima		Yatsukha, Roman	
Otkrivanje lažno pozitivnih i lažno negativnih preklapanja u grafu sastavljanja		Požega, Luka	
Popravljanje grešaka u očitanjima čuvajući informaciju o haploidu		Brekalo, Tvrko	
Poboljšanje djelomično sastavljenog genoma pomoću statističke analize Hi-C očitanja		Meter, Josip	
Određivanje varijanti gena u populaciji više jedinki iz sekvenciranih očitanja varijabilne duljine		Lipovac, Matea	
Popunjavanje rupa u djelomično sastavljenom genomu		Oreč, Marija	
Vrednovanje modela za predikciju udaljenosti između RNA atoma		Šarić, Jelena	
Aplikacija za analizu bioinformatičkih podataka pomoću vanjskih alata		Briševac, Zvonimir	
Simulacija de-novo sekvenciranja kratkih proteina pomoću masenog spektrometra, koristeći vjerojatnosne modele		Grgurević, Ante	

Očitavanje pulsa osobe iz videosnimke	Rajković, Ena	
Segmentacija panoramskih rendgenskih snimaka ljudske čeljusti	Dorić, Gabriela	
Brzo preklapanje visoko pouzdanih jednomolekularnih očitanja	Pratljačić, Suzana	
Detekcija grupa modificiranih nukleotida u očitanjima RNA dobivenih metodom nanopora	Lipovac, Josipa	
Metodologija povećanja interesa djevojčica za programiranje i robotiku	Martić, Marija	
Simulacija de-novo sekvenciranja kratkih proteina pomoću masenog spektrometra, koristeći tehnike dubokog učenja	Arbanasić, Andrija	
Aplikacija za pohranu bioinformatičkih podataka u sustavu PostgreSQL	Ranogajec, Daniel	
Zapisivanje sličnih sekvenci u obliku grafa	Strejček, Lucija	
Analiza stomatoloških rendgenskih slika pomoću dubokog učenja	Engelmann, Otto	
Brzo prepoznavanje mikroba uporabom dubokog učenja	Bakić, Sara	
Detekcija i očitanje registarskih oznaka vozila pomoću dubokog učenja	Hančić, Fran	
Detekcija klizišta na LiDAR snimkama pomoću dubokog učenja	Car, Franko	
Metoda za pretvaranje signala dobivenog sekvenciranjem nanoporama u niz nukleotida	Pavlić, Stanislav	
Model dubokog učenja pore za sekvenciranje nanoporama	Penić, Rafael Josip	
Određivanje modificiranih nukleotida koristeći sekvenciranje nanoporama i duboko učenje	Deur, Sanja	
Očitavanje pulsa osobe iz videosnimke lica	Juraga, Ivan	
Usporedba algoritama pronalaženja slučajno bačenih loptica temeljenima na računalnom vidu i dubokim neuronskim mrežama	Keča, Dominik	
Detekcija lica na fotografijama koristeći modele dubokog učenja	Klaić, Mario	
Prepoznavanje mikroba uporabom dubokog učenja	Baksa, Mirna	
De novo sastavljanje mikrobnih zajednica koristeći tehnologiju za očitanje DNA treće generacije	Brekalo, Tvrtko	
Popravljanje djelomično sastavljenog genoma temeljeno na algoritmu HERA	Jurić, Matija	
Pronalaženje varijanti gena grupiranjem pomoću algoritama dinamičkog programiranja	Frajlić, Nera	
Vizualizacija podataka dobivenih sekvenciranjem RNA	Vrlec, Jan	

Robusna estimacija položaja i orientacije kamera te rekonstrukcija 3D svijeta korištenjem 2D korespondentnih točaka iz N perspektivnih slika		Tomurad, Josip	
Detekcija lica u fotografijama velikih grupa ljudi		Filipović, Tomislav	
Vizualno pretraživanje sadržaja i lokalizacija pogleda u bazi knjiga pomoću dubokog učenja		Ilić, Ivan	
Preklapanje visoko pouzdanih jednomolekularnih očitanja		Babojelić, Dario	
Prepoznavanje mikroba uporabom obrade signala i lokalno osjetljivog raspršenog adresiranja		Paulinović, Mate	
Sustav za praćenje ispitanika tijekom pretraživanja Google tražilicom		Šaravanja, Matej	
Popravljanje djelomično sastavljenoga genoma pomoći Hi-C očitanja		Wolf, Filip	
De novo sastavljanje diploidnih genoma koristeći tehnologiju za očitanje DNA treće generacije		Yatsukha, Roman	
Protočna struktura za detekciju grupe modificiranih nukleotida u očitanjima RNA dobivenih metodom nanopora		Martinović, Ivona	
Vizualizacija podataka dobivenih sekvenciranjem DNA		Osredek, Nikola	
Procjena očekivanog stupnja potpunosti genoma iz dostupnih očitanja		Fureš, Matej	
Izgradnja biblioteke za poravnavanje parova dugačkih RNA očitanja		Penić, Rafael Josip	
Poliranje DNA slijeda koristeći metode dubokog učenja		Vrček, Lovro	
De novo sastavljanje genoma vođeno referencom		Bakić, Sara	
Gornja granica u sastavljanju genoma		Požega, Luka	
Klasifikacija očitanja koristeći metode dubokog učenja		Relić, Borna	
Korištenje referentne baze za predviđanje plazmida		Deur, Sanja	
Mapiranje dugačkih očitanja		Pongračić, Kristijan	
Mapiranje kratkih očitanja		Pavlić, Stanislav	
Mapiranje slijeda na graf		Batić, Dominik	
Ocjena alata za identifikaciju vrsta u metagenomskim uzorcima		Lipovac, Josipa	
Pronalaženje varijanti gena iz podataka dobivenih sekvenciranjem		Kosier, Sanja	
Detekcija varijacija u jednom nukleotidu uporabom metoda dubokog učenja		Stanojević, Dominik	
Identifikacija tipova 1D-signala dubokog učenja		Floreani, Filip	

Rani probir za otkrivanje preeklampsije	Rupe, Marina
Cjelobrojno programiranje pri nekim problemima raspoređivanja	Križanović, Krešimir
Poboljšanje sastavljenih genoma metodama dubokog učenja	Jurić, Antonio
Naučene indeksne strukture	Paulinović, Mate
Brzo pretraživanje sličnih proteinskih sljedova	Babojelić, Dario
Landau-Vishkin-Nussinov algoritam za poravnanje dva niza	Vršnak, Donik
Mobilna aplikacija za prikupljanje podataka o korisničkoj aktivnosti	Baksa, Mirna
Približni algoritam za brzo računanje poravnajanja dvaju dugačkih nizova	Sodić, Filip
Sustav za pohranu DNA	Šaravanja, Matej
De novo sastavljanje metagenoma koristeći metode za grupiranje očitanja	Škugor, Luka
Model dubokog učenja s kraja na kraj za određivanje očitanih baza dobivenih uređajem za sekvenciranje MinION	Miculinić, Neven
Popunjavanje rupa sastavljenih genoma pomoću dugačkih očitanja	Krpelnik, Ivan
Pretraživanje baza proteina pomoću djelomično uređenog poravnjanja	Žuljević, Petar
Skriveni Markovljev model za određivanje očitanih baza dobivenih uređajem za sekvenciranje MinION	Selak, Ana Marija
Algoritam za određivanje ukupnog poravnjanja dva grafa poravnanja parcijalnog uređaja	Bradač, Mislav
Algoritam za računanje profila pogreške za tehnologije za sekvenciranje treće generacije	Megla, Lucija
Analiza metagenomskog uzorka dobivenog sekvenciranjem koristeći uređaje treće generacije	Rupe, Marina
Identifikacija tipova 1D-signala pomoću nenadziranog dubokog učenja	Tomljanović, Jan
Identifikacija tipova 1D-signala pomoću polu-nadziranog dubokog učenja	Šebrek, Tomislav
Klasifikacija bioloških anotacija na velikoj skali koristeći reprezentacije riječi izvedene iz dokumenata biomedicinske znanstvene literature	Baćac, Adriano
Model dubokog učenja za određivanje očitanih baza dobivenih uređajem za sekvenciranje MinION	Ratković, Marko
Ručno određivanje lažnih preklapanja koja nastaju pri sastavljanju genoma	Floreani, Filip
Utjecaj susjeda na vlastito mišljenje	Bestvina, Ivan
dna2vec: vektorska reprezentacija k-torki različite duljine	Kutnjak, Mateo

Poravnanje dugačkih RNA očitanja	Jurić, Antonio	
Poravnanje RNA očitanja na poznate gene	Krpelnik, Ivan	
Stablo Bloomovih filtara za spremanje sljedova	Škugor, Luka	
Sustav potpore odlučivanju za predviđanje i optimalnu nabavu	Miculinić, Neven	
Alat za poravnanje dugačkih očitanja	Ratković, Marko	
Generiranje konsenzusnog slijeda iz grafova djelomično uređenih višestrukih poravnjanja	Baćac, Adriano	
Poboljšano sufiksno polje	Hadviger, Antea	
Rekonstrukcija filogenetskog stabla koristeći metodu maksimalne uštede uz razgranaj-ograniči optimizaciju	Selak, Ana Marija	
Rekonstrukcija filogenetskog stabla koristeći metodu udruživanja susjeda	Megla, Lucija	
Sufiksno stablo	Šebrek, Tomislav	
Web aplikacija za upravljanje projektima	Bužić, Daria	
Web aplikacija za upravljanje recepturama	Vanjak, Ivana	
Web-aplikacija za upravljanje osobnim i grupnim financijama	Rotim, Leon	
Prostorno-vremensko proširenje sustava za upravljanje tokovima podataka	Križanović, Krešimir	