

Time of export: 17.04.2025. 03:10:09

Repository: repozitorij.fer.unizg.hr

Number of records on this URL: 140

Records exported: 100

Title	URL	Authors	Host item title
Određivanje prostorne vizualizacije učenika koristeći gradivne elemente edukacijskih robota		Babić, Lucija	
Praćenje angažiranosti učenika korištenjem pametnih satova		Marinčić, Lucija	
Udaljeno upravljanje robotom TIOSS		Majer, Josip	
Web aplikacija za vizualizaciju bioinformatičkih algoritama		Klaić, Mario	
Obrnuti trio-binning pomoću strojnog učenja		Grbelja, Roko	
Analiza metagenomskog uzorka na temelju distribucije k-mera		Sviličić, Domagoj	
Određivanje okvira objekata na slikama s pomoću dubokog učenja		Štrbac, Dorjan	
Ab-initio detekcija gena s pomoću dubokog učenja		Kufrin, Fran	
Raspoznavanje objekata na slikama pomoću dubokog učenja		Miličević, Luka	
Dijagnostika bolesti na temelju podataka o ekspresiji gena		Perković, Marija	
Ab initio detekcija gena temeljena na neuronskim mrežama		Zrilić, Josip Šime	

The Applied Genomics Development Strategy by the Croatian Academy of Sciences and Arts paves the way for the future development of applied genomics in Croatia		Sedlic, Filip; Sertić, Jadranka; Markotić, Alemka; Primorac, Dragan; Slavica, Anita; Zibar, Lada; Vlahoviček, Kristian; Kušec, Vesna; Barić, Ivo; Paar, Vladimir; Borovečki, Fran; Žmak, Ljiljana; Kurolt, Ivan-Christian; Canki-Klain, Nina; Roksandić, Sunčana; Rinčić, Iva; Jurić, Hrvoje; Škaro, Vedrana; Marjanović, Damir; Projić, Petar; Primorac, Damir; Starčević, Antonio; Vujaklija, Dušica; Šikić, Mile; Križanović, Krešimir; Gamulin, Stjepan	
Mobilna aplikacija za vizualizaciju bioinformatičkih algoritama		Gavrić, Mario	
Web aplikacija za analizu bioinformatičkih podataka		Briševac, Zvonimir	
Web aplikacija za pohranjivanje i pretraživanje bioinformatičkih podataka		Špoljarec, Nikola	
Generička platforma u oblaku za objavu informacija i oglasa		Pandžić, Zdravko	
Usporedba radnih okvira za razvoj web-aplikacija		Djaković, Kristian	
Web aplikacija za pretraživanje baze biološki značajnih metala		Mišić, Antonio	
Stavovi studenata o poduzetništvu i inovacijama		Kurelja, Iva	
Ispitivanje sigurnosti dubokih neuronskih mreža za analizu slika		Smoljan, Dorian	
Sinteza novih pogleda temeljena na neuronskim poljima zračenja		Ciglencečki, Matej	
Aplikacija za vizualizaciju i manipulaciju bioinformatičkim podacima		Jurić, Vid	
Metagenomska klasifikacija temeljena na sastavljanju metagenoma		Frajlić, Nera	
Web platforma za prikazivanje i dijeljenje video sadržaja		Ranogajec, Daniel	
Klasifikacija nepoznatih organizama u simuliranom metagenomskom uzorku		Rivić Carević, Sara	

Izrada prototipa interaktivne slagalice za iskustveno učenje		Vdović, Lara	
Klasifikacija bolesti na temelju podataka o ekspresiji gena		Tuković, Lana	
Određivanje varijanti gena u populaciji više jedinki pomoću stojnog učenja		Vlainić, Ema	
Prototip robota za igranje tenisa		Čuška, Vice	
Klasifikacija metagenomskog uzorka pomoću alata za mapiranje		Madžarac, Tea	
Optimizing approaches and representations for predictive modeling of molecular mechanisms of action and binding affinities of bioactive molecules		Oršolić, Davor	
Usporedba algoritamskog pristupa i tehnika strojnog učenja za problem grupiranja sekvenci DNA		Letić, Sandi	
Aplikacija za vizualizaciju bioinformatičkih podataka		Marić, Matej	
Otkrivanje bolesti iz podataka ekspresije gena pomoću strojnog učenja		Hladek, Mario	
Primjena dubokog učenja za detekciju lica		Vučinić, Anton	
Aplikacija za mapiranje očitavanja na referencu s optimizacijom potrošnje memorije		Mička, Fran	
Aplikacija za organizaciju velikih bioinformatičkih podataka		Arbanas, Fran Andrija	
Aplikacija za pohranjivanje i vizualizaciju bioinformatičkih podataka		Osredek, Nikola	
Detekcija klizišta na LiDAR snimkama temeljena na dubokom učenju		Šimac, Luka	
Generiranje umjetnih slika zuba pomoću dubokih neuronskih mreža		Batur, Marija	

Poboljšanje procjene duboke neuronske mreže kroz variranje slikovnog ulaza		Franetović, Roko	
Rekonstrukcija PET slika suparničkim modelima učenja		Kuljanac, Marija	
Određivanje varijanti gena u populaciji više jedinki iz podataka dobivenih sekvenciranjem, s malom greškom		Grbelja, Roko	
Klasifikacija mikroba uporabom dubokog učenja		Pongračić, Kristijan	
Korištenje graf neuronskih mreža za odvajanje haplotipa u grafovima sastavljanja		Wolf, Filip	
Metoda za mapiranje bisulfitno tretiranih očitavanja na genom		Kosier, Sanja	
Metoda za sastavljanje genoma temeljena na De Bruijn grafovima i minimizatorima		Yatsukha, Roman	
Otkrivanje lažno pozitivnih i lažno negativnih preklapanja u grafu sastavljanja		Požega, Luka	
Popravljanje grešaka u očitanjima čuvajući informaciju o haploidu		Brekalo, Tvrtko	
Poboljšanje djelomično sastavljenog genoma pomoću statističke analize Hi-C očitavanja		Meter, Josip	
Određivanje varijanti gena u populaciji više jedinki iz sekvenciranih očitavanja varijabilne duljine		Lipovac, Matea	
Popunjavanje rupa u djelomično sastavljenom genomu		Oreč, Marija	
Vrednovanje modela za predikciju udaljenosti između RNA atoma		Šarić, Jelena	
Aplikacija za analizu bioinformatičkih podataka pomoću vanjskih alata		Briševac, Zvonimir	

Simulacija de-novo sekvenciranja kratkih proteina pomoću masenog spektrometra, koristeći vjerojatnosne modele		Grgurević, Ante	
Očitavanje pulsa osobe iz videosnimke		Rajković, Ena	
Segmentacija panoramskih rendgenskih snimaka ljudske čeljusti		Dorić, Gabriela	
Brzo preklapanje visoko pouzdanih jednomolekularnih očitavanja		Pratljačić, Suzana	
Detekcija grupa modificiranih nukleotida u očitanjima RNA dobivenih metodom nanopora		Lipovac, Josipa	
Metodologija povećanja interesa djevojčica za programiranje i robotiku		Martić, Marija	
Simulacija de-novo sekvenciranja kratkih proteina pomoću masenog spektrometra, koristeći tehnike dubokog učenja		Arbanasić, Andrija	
Aplikacija za pohranu bioinformatičkih podataka u sustavu PostgreSQL		Ranogajec, Daniel	
Zapisivanje sličnih sekvenci u obliku grafa		Strejček, Lucija	
Analiza stomatoloških rendgenskih slika pomoću dubokog učenja		Engelmann, Otto	
Brzo prepoznavanje mikroba uporabom dubokog učenja		Bakić, Sara	
Detekcija i očitavanje registarskih oznaka vozila pomoću dubokog učenja		Hančić, Fran	
Detekcija klizišta na LiDAR snimkama pomoću dubokog učenja		Car, Franko	
Metoda za pretvaranje signala dobivenog sekvenciranjem nanoporama u niz nukleotida		Pavlić, Stanislav	
Model dubokog učenja pore za sekvenciranje nanoporama		Penić, Rafael Josip	

Određivanje modificiranih nukleotida koristeći sekvenciranje nanoporama i duboko učenje		Deur, Sanja	
Očitavanje pulsa osobe iz videosnimke lica		Juraga, Ivan	
Usporedba algoritama pronalaženja slučajno bačenih loptica temeljenima na računalnom vidu i dubokim neuronskim mrežama		Keča, Dominik	
Detekcija lica na fotografijama koristeći modele dubokog učenja		Klaić, Mario	
Prepoznavanje mikroba uporabom dubokog učenja		Baksa, Mirna	
De novo sastavljanje mikrobnih zajednica koristeći tehnologiju za očitavanje DNA treće generacije		Brekalo, Tvrtko	
Popravljanje djelomično sastavljenog genoma temeljeno na algoritmu HERA		Jurić, Matija	
Pronalaženje varijanti gena grupiranjem pomoću algoritama dinamičkog programiranja		Frajlić, Nera	
Vizualizacija podataka dobivenih sekvenciranjem RNA		Vrlec, Jan	
Robusna estimacija položaja i orijentacije kamera te rekonstrukcija 3D svijeta korištenjem 2D korespondentnih točaka iz N perspektivnih slika		Tomurad, Josip	
Detekcija lica u fotografijama velikih grupa ljudi		Filipović, Tomislav	
Vizualno pretraživanje sadržaja i lokalizacija pogleda u bazi knjiga pomoću dubokog učenja		Ilić, Ivan	
Preklapanje visoko pouzdanih jednomolekularnih očitavanja		Babojelić, Dario	
Prepoznavanje mikroba uporabom obrade signala i lokalno osjetljivog raspršenog adresiranja		Paulinović, Mate	
Sustav za praćenje ispitanika tijekom pretraživanja Google tražilicom		Šaravanja, Matej	

Popravljanje djelomično sastavljenoga genoma pomoći Hi-C očitavanja		Wolf, Filip	
De novo sastavljanje diploidnih genoma koristeći tehnologiju za očitavanje DNA treće generacije		Yatsukha, Roman	
Protočna struktura za detekciju grupa modificiranih nukleotida u očitanjima RNA dobivenih metodom nanopora		Martinović, Ivona	
Vizualizacija podataka dobivenih sekvenciranjem DNA		Osredek, Nikola	
Procjena očekivanog stupnja potpunosti genoma iz dostupnih očitavanja		Fureš, Matej	
Izgradnja biblioteke za poravnavanje parova dugačkih RNA očitavanja		Penić, Rafael Josip	
Poliranje DNA slijeda koristeći metode dubokog učenja		Vrček, Lovro	
De novo sastavljanje genoma vođeno referencom		Bakić, Sara	
Gornja granica u sastavljanju genoma		Požega, Luka	
Klasifikacija očitavanja koristeći metode dubokog učenja		Relić, Borna	
Korištenje referentne baze za predviđanje plazmida		Deur, Sanja	
Mapiranje dugačkih očitavanja		Pongračić, Kristijan	
Mapiranje kratkih očitavanja		Pavlić, Stanislav	
Mapiranje slijeda na graf		Batić, Dominik	
Ocjena alata za identifikaciju vrsta u metagenomskim uzorcima		Lipovac, Josipa	
Pronalaženje varijanti gena iz podataka dobivenih sekvenciranjem		Kosier, Sanja	
Detekcija varijacija u jednom nukleotidu uporabom metoda dubokog učenja		Stanojević, Dominik	

Identifikacija tipova 1D-signalâ dubokog učenja		Floreani, Filip	
Rani probir za otkrivanje preeklampsije		Rupe, Marina	
Cjelobrojno programiranje pri nekim problemima raspoređivanja		Križanović, Krešimir	
Poboljšanje sastavljenih genoma metodama dubokog učenja		Jurić, Antonio	
Naučene indeksne strukture		Paulinović, Mate	
Brzo pretraživanje sličnih proteinskih sljedova		Babojeić, Dario	
Landau-Vishkin-Nussinov algoritam za poravnanje dva niza		Vršnak, Donik	
Mobilna aplikacija za prikupljanje podataka o korisničkoj aktivnosti		Baksa, Mirna	
Približni algoritam za brzo računanje poravnanja dvaju dugačkih nizova		Sodić, Filip	
Sustav za pohranu DNA		Šaravanja, Matej	
De novo sastavljanje metagenoma koristeći metode za grupiranje očitâja		Škugor, Luka	
Model dubokog učenja s kraja na kraj za određivanje očitânih baza dobivenih uređajem za sekvenciranje MinION		Miculinić, Neven	
Popunjavanje rupa sastavljenih genoma pomoću dugačkih očitâja		Krpelânik, Ivan	
Pretraživanje baza proteina pomoću djelomično uređenog poravnanja		Žuljević, Petar	
Skriveni Markovljev model za određivanje očitânih baza dobivenih uređajem za sekvenciranje MinION		Selak, Ana Marija	
Algoritam za određivanje ukupnog poravnanja dva grafa poravnanja parcijalnog uređaja		Bradač, Mislav	

Algoritam za računanje profila pogreške za tehnologije za sekvenciranje treće generacije		Megla, Lucija	
Analiza metagenomskog uzorka dobivenog sekvenciranjem koristeći uređaje treće generacije		Rupe, Marina	
Identifikacija tipova 1D-signalu pomoću nenadziranog dubokog učenja		Tomljanović, Jan	
Identifikacija tipova 1D-signalu pomoću polu-nadziranog dubokog učenja		Šebrek, Tomislav	
Klasifikacija bioloških anotacija na velikoj skali koristeći reprezentacije riječi izvedene iz dokumenata biomedicinske znanstvene literature		Baćac, Adriano	
Model dubokog učenja za određivanje očitanih baza dobivenih uređajem za sekvenciranje MinION		Ratković, Marko	
Ručno određivanje lažnih preklapanja koja nastaju pri sastavljanju genoma		Floreani, Filip	
Utjecaj susjeda na vlastito mišljenje		Bestvina, Ivan	
dna2vec: vektorska reprezentacija k-torki različite duljine		Kutnjak, Mateo	
Poravnanje dugačkih RNA očitavanja		Jurić, Antonio	
Poravnanje RNA očitavanja na poznate gene		Krpelnic, Ivan	
Stablo Bloomovih filtara za spremanje sljedova		Škugor, Luka	
Sustav potpore odlučivanju za predviđanje i optimalnu nabavu		Miculinić, Neven	
Alat za poravnanje dugačkih očitavanja		Ratković, Marko	
Generiranje konsenzusnog slijeda iz grafova djelomično uređenih višestrukih poravnanja		Baćac, Adriano	
Poboljšano sufiksno polje		Hadviger, Antea	

Rekonstrukcija filogenetskog stabla koristeći metodu maksimalne uštede uz razgranaj-ograniči optimizaciju		Selak, Ana Marija	
Rekonstrukcija filogenetskog stabla koristeći metodu udruživanja susjeda		Megla, Lucija	
Sufiksno stablo		Šebrek, Tomislav	
Web aplikacija za upravljanje projektima		Bužić, Daria	
Web aplikacija za upravljanje recepturama		Vanjak, Ivana	
Web-aplikacija za upravljanje osobnim i grupnim financijama		Rotim, Leon	
Prostorno-vremensko proširenje sustava za upravljanje tokovima podataka		Križanović, Krešimir	